

# Tarefa 3 de bioinformática

1. Acesse a bioinfo [ssh [bioufmg@bioinfo.icb.ufmg.br](mailto:bioufmg@bioinfo.icb.ufmg.br)]
2. Entre na sua pasta [cd eusoujacu]
3. Crie um diretório tarefa\_3 [mkdir tarefa\_3]
4. Entre nele [cd tarefa\_3]
5. Como um dos objetivos da disciplina é seguir tutoriais, execute a montagem de genomas da aula:

[http://biodados.icb.ufmg.br/pinguim/aula5\\_montagem/aula5.htm](http://biodados.icb.ufmg.br/pinguim/aula5_montagem/aula5.htm)

6. Entregue **um breve comentário** sobre os itens abaixo, por e-mail, com assunto "TAREFA3", para:
  - TR1 = [biodados@gmail.com](mailto:biodados@gmail.com) e [lissurorsine@gmail.com](mailto:lissurorsine@gmail.com)
  - TR2 = [biodados@gmail.com](mailto:biodados@gmail.com) e [elisson.nlopes@gmail.com](mailto:elisson.nlopes@gmail.com)
  - a. O objetivo do item 4 do tutorial
  - b. Comparação entre os itens 7 versus 10
  - c. Item 12 do tutorial e pesquise significado de n50 e explique
  - d. Comparação do item 14, com o que foi feito no 12
  - e. Comparação entre o que é feito no item 19 com 18
  - f. Discuta a importância de mais e mais genomas estarem já sequenciados